

www.viceph.net
 admin@viceph.net
 033 578 5319

Hướng dẫn tạo phân tích phim sọ nghiêng mới.

Trong chuyên ngành chỉnh nha hiện tại có rất nhiều phương pháp phân tích khác nhau nhằm đánh giá và phát hiện các bất thường trên bệnh nhân qua phim sọ nghiêng.

Mỗi phương pháp phân tích đều có ưu nhược điểm riêng và mỗi bác sĩ thường chỉ sử dụng đến một vài chỉ số của mỗi phân tích.

vì mục tiêu tối ưu quá trình làm việc, Viceph đã xây dụng công cụ "Custom analysis" và "Custom norm". Với công cụ này, bác sĩ có thể tổng hợp lại các chỉ số mà bản thân thấy cần thiết, từ đó tạo ra một phân tích mới dựa trên các phân tích đã có sẵn hiện nay.

Sau đây là hướng dẫn chi tiết cho chức năng này.

Bước 1: Truy cập trang web *https://viceph.net/* trên trình duyệt của bạn, đăng nhập hoặc đăng ký tài khoản (nếu chưa có).



Bước 2: Chọn mục **"DANH SÁCH BỆNH NHÂN"** trên thanh công cụ chính. Bạn sẽ được chuyển sang giao diện danh sách bệnh nhân hiện tại. Tại đây, chọn vào biểu tượng **"Phân tích phim sọ mặt nghiêng"** của bệnh nhân cần phân tích.

| (A) TÍNH NĂNG | DANH SÁCH BỆNH NH. | ÂN HƯÔN | G DĂN LIÊ | N HÊ | | | | | | | Hie | en 👻 📩 Tiếng Việ | | |
|-----------------------------------|---|------------|-----------|---------------|---|---|--------|--|--|---------------------|-----|------------------|--|--|
| Chon Phòng Kh ortho.com.vn@gmc | Chon Phong Khám ortho.com.vn@gmail.com | | | | | | | | DANH SẮCH ĐỆNH NHÂN CHIA SẼ NỘI BỘ CHIA SẼ CỘNG ĐÔNG | | | | | |
| tên bệnh nhân mới | | dd/mm/yyyy | | 🗸 🗸 🖌 🖌 | | | | | | + TẠO BỆNH NHÂN MỚI | | | | |
| gõ tên bệnh nhân | cần tìm 🔍 | | | | | | | | | | | | | |
| 11/10/2022 | NGUYỄN VĂN A (ortho.com.vn@gmail.com) | 12/8/1993 | Nam | Ấn vào để sửa | ę | 8 | ₿ D | | | 8 | 8 | Ŵ | | |
| | A (ortho.com.vn@gmail.com) | 28/7/1993 | Nữ | Ấn vào để sửa | ę | 8 | ţ | | | 8 | 8 | Ŵ | | |
| | | | | 1 | | | | | | | | | | |

Danh sách bệnh nhân.

| Chọn Phòng Khi ortho.com.vn@gma | ăm il.com ∨ | | | | | | DANH SÁC | H BÊNH NH | ÂN CH | IIA SĚ NỘ | BỘ C | HIA SẼ CỘNG ĐỔNG | |
|------------------------------------|--|-----------|----------|---------------|---------|-------------|-----------|---------------|-------|-----------|----------|------------------|---|
| tên bệnh nhân mới | | dd/mm | n∕yyyy ⊟ | ~ | ghi chú | | | | | | + TẠO | BỆNH NHÂN MỚI | ı |
| gõ tên bệnh nhân | cần tìm 🔍 | | | | | | | | | | | | |
| 11/10/2022 | NGUYỄN VĂN A (ortho.com.vn@gmail.com) | 12/8/1993 | Nam | Ấn vào để sửa | ę | 8 | þ | | | 8 | <u>8</u> | Ŵ | |
| | A (ortho.com.vn@gmail.com) | 28/7/1993 | Nữ | Ấn vào để sửa | | phân tích j | phim so n | i njat nghiên | 9 | 8 | 8 | Ŵ | |

Chọn phân tích phim sọ mặt nghiêng.

Bước 3: Sau khi chọn phân tích phim sọ mặt nghiêng, sẽ xuất hiện giao diện upload phim. **Chọn khung upload → chọn phim từ thiết bị của bạn → Open.**





Giao diện upload phim.



Chọn phim từ thiết bị.



Upload phim thành công.

1. Tạo phân tích mới (Custom analysis) :

Bước 4: Tại giao diện phân tích phim, chọn biểu tượng **"thêm phân tích tùy chỉnh"** bên cạnh tên phân tích. Sau khi chọn sẽ xuất hiện khung ghi tên phân tích mới, điền tên phân tích và chọn biểu tượng lưu.



Giao diện phân tích.



Chọn biểu tượng "thêm phân tích tùy chỉnh".



Thêm và lưu tên phân tích mới.

Bước 5: Sau khi lưu, chọn **" Thêm chỉ số"** sẽ xuất hiện khung danh sách các chỉ số có sẵn. Chọn các chỉ số cần sử dụng. Để xóa chỉ số không cần thiết, chọn biểu tượng xóa bên cạnh chỉ số đó. Để xóa phân tích, chọn biểu tượng xóa bên cạnh tên phân tích.



Chọn "thêm chỉ số".



Chọn các chỉ số cần thiết.



Hoàn thành phân tích mới.

2. Tạo bộ giá trị chuẩn mới (Custom norm) :

Bước 4: Tại giao diện phân tích phim, chọn biểu tượng **"Thêm bộ tham khảo"**. Sau khi chọn sẽ xuất hiện khung ghi tên bộ tham khảo mới, điền tên và chọn biểu tượng lưu. Bộ tham khảo mới sẽ dựa tạo ra dựa trên bộ tham khảo trước đó.



| A (ORTHOL | | | (ORTHO | | | (Nữ 29 Tuổi) | |
|-------------------------|---------|-----------|---------|-----------|---|----------------|-----|
| ÉT QUẢ PHÂN TÍCH | | | | | AQ: 569PX) | | |
| о́ тнам кна́о. 🛛 Vietr | amese | | ~ | () | | ۵۵ (ق | > * |
| HÂN TÍCH: Steiner | ~ | () | BÁO CÁO | | | | |
| CHI Số | Giá Trị | Min | Max | Ð/V | | | |
| SNA | 0 | 81,14 | 86.92 | dõ | | | |
| SNB | 0 | 78.48 | 84.2 | dõ | | | |
| ANB | 0 | 1.09 | 3.81 | dõ | | | |
| Inter-incisal | 0 | 114.87 | 153.09 | độ | Sec. 1 | | |
| tandible (S-N vs Go-Gn) | 0 | 21,4 | 32.24 | độ | A DO | | |
| SND | 0 | 74.5 | 80.32 | dó | | | |
| U1E->NA | NaN 🚦 | 2.53 | 5.71 | mm | 10 1 Tan | | |
| U1-NA | 0 | 18,4 | 50.52 | dô | of LONA | | |
| L1E->NB | NaN I | 2.05 | 6.57 | mm | Contraction of the second s | | |
| L1-NB | 0 | 22.29 | 34.55 | độ | | | |
| | | | | | and the second se | | |

Chọn "Thêm bộ tham khảo mới" (biểu tượng dấu cộng cạnh tên bộ tham khảo).



Điền và lưu tên bộ tham khảo mới.



Lưu tên thành công. Bộ tham khảm mới sẽ dựa vào bộ tham khảo trước đó (Vietnamese).

Bước 5: Sau khi lưu tên thành công, bạn có thể chỉnh sửa bất kì giá trị chuẩn của bất kì phân tích nào bằng cách nhấn chọn ô giá trị của chỉ số đó và nhập giá trị mới vào. Các giá trị thay đổi sẽ được tự động lưu thành bộ giá trị chuẩn mới với tên bạn vừa tạo.



Thay đổi giá trị min của chỉ số SNA thuộc phân tích Steiner.



Thay đổi giá trị min của chỉ số FMA thuộc phân tích Tweet.